



Europäisches Patentamt
European Patent Office
Office européen des brevets



⑪ Veröffentlichungsnummer: **0 416 572 A1**

⑫

EUROPÄISCHE PATENTANMELDUNG

⑲ Anmeldenummer: 90117061.3

⑥ Int. Cl.⁵: **C12N 15/82, C12N 15/11,
C07H 21/02, A01H 5/00,
A01H 5/10**

⑳ Anmeldetag: 05.09.90

Ein Antrag gemäss Regel 88 EPÜ auf Berichtigung der Beschreibung liegt vor. Über diesen Antrag wird im Laufe des Verfahrens vor der Prüfungsabteilung eine Entscheidung getroffen werden (Richtlinien für die Prüfung im EPA, A-V, 2.2).

Der Anmelder hat nachträglich ein Sequenzprotokoll eingereicht und erklärt, dass dieses keine neuen Angaben enthält.

③① Priorität: 07.09.89 DE 3929741

④③ Veröffentlichungstag der Anmeldung:
13.03.91 Patentblatt 91/11

④④ Benannte Vertragsstaaten:
AT BE CH DE DK ES FR GB IT LI NL SE

⑦① Anmelder: **HOECHST AKTIENGESELLSCHAFT**
Postfach 80 03 20
W-6230 Frankfurt am Main 80(DE)

⑦② Erfinder: Uijtewaal, Bernardus, Dr.
In de Neerakker 68
NL-6093 JG Heythheuisen(NL)
Erfinder: Schneider, Rudolf, Dr.
Feldbergstrasse 98
W-6233 Kelkheim/Taunus(DE)
Erfinder: Uhlmann, Eugen, Dr.
Zum Talblick 31
W-6246 Glashütten/Taunus(DE)
Erfinder: Müllner, Hubert, Dr.
Berliner Ring 20
W-6233 Kelkheim/Taunus(DE)

⑤④ RNA mit Endoribonucleaseaktivität gegen mRNA von Reifungsgenen, ihre Herstellung und ihre Verwendung in Pflanzen.

⑤⑦ Ribozym-Gene oder -Gen-Fragmente können auf Basis der c-DNA von Reifungsgenen synthetisiert werden. Sie werden dann in Pflanzenzellen eingeschleust und dort exprimiert, wodurch eine nahezu vollständige Hemmung der Reifungsenzyme hervorgerufen wird.

EP 0 416 572 A1

RNA MIT ENDORIBONUCLEASEAKTIVITÄT GEGEN MRNA VON REIFUNGSGENEN, IHRE HERSTELLUNG UND IHRE VERWENDUNG IN PFLANZEN

RNA-Moleküle können unter geeigneten Voraussetzungen ohne Beteiligung von Proteinen an anderen RNA-Molekülen Reaktionen katalysieren oder autokatalytisch Fragmente aus eigenen Molekülen abspalten. So wird vom 3'-Ende der 23s rRNA von *Tetrahymena thermophila* autokatalytisch ein Intron mit 413 Nukleotiden entfernt und in eine zirkuläre Form übergeführt. Dies geschieht durch eine Reihe von Phosphoestertransfer-Reaktionen mit Beteiligung von Guanotin-Kofaktoren (Cech, T.R., *Nature* 30, 578-583 (1983)). Je nach RNA Substrat oder den gewählten Reaktionsbedingungen kann das Intron als spezifische Ribonuclease, terminale Transferase, Phosphotransferase oder saure Phosphatase funktionieren. Dabei kann ein RNA-Molekül einige Umsetzungen vornehmen, ohne selbst verändert zu werden und verhält sich in dieser Hinsicht wie ein Enzym. Für RNA-Moleküle mit diesen Eigenschaften wurde deshalb der Begriff

Ribozym geprägt.

Ähnliche Reaktionen ohne Beteiligung von Proteinen konnten auch für einige viroide RNAs und Satelliten-RNAs gezeigt werden. So scheint für Avocado Sunblotch Viroid (ASBV) (Hutchins, C.J. et al. *Nucleic Acids Res.* 14, 3627-3640 (1986)), Satelliten-RNA von Tobacco Ringspot Virus (sTobRV) (Prody, G.A. et al. *Science* 231, 1577-1580 (1986)) und Satelliten-RNA von Luzerne Transient Streak Virus (sLTSV) (Forster A.C. et al., *Cell* 49, 211-220 (1987)) eine Selbst-Prozessierung eine essentielle Reaktion für die Vermehrung zu sein. Während der Replikation dieser RNAs werden vermutlich zirkuläre Formen gebildet, die als "Templates" zur Synthese von RNAs mit Überlänge führen. Diese Transkripte werden durch die selbstkatalysierten, endonucleolytischen Reaktionen auf die richtige Genomlänge zurechtgeschnitten.

Die Strukturen der RNAs, die diese vermutlich für die Reaktion einnehmen, wurden als "hammerheads" beschrieben (Forster A. C. et al., *Cell* 49, 211-220 (1987); Haseloff, J. et al., *Nature* 334, 585-591 (1988)).

Die Schnittstellen für diese RNA-Enzyme sind spezifisch und müssen bestimmte strukturelle Voraussetzungen aufweisen, damit eine Prozessierung erfolgen kann.

Es wurde nun gefunden, daß Ribozyme für Reifungsenzyme kodierende Pflanzen-RNA angreifen können und damit zur Beeinflussung der Reifungsprozesse in Pflanzen eingesetzt werden können.

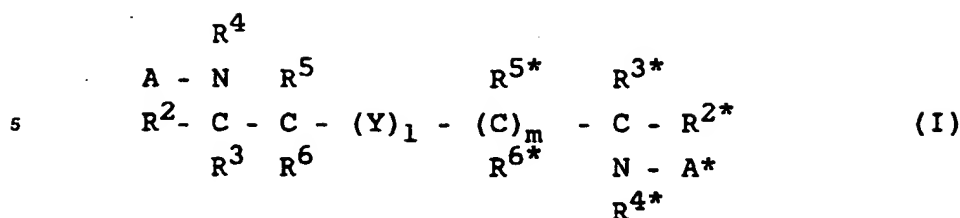
Die Regulation der Expression der für das Reifungsenzym Polygalakturonase kodierenden DNA durch "antisense"-RNA wurde von Smith C.J.S. et al. in *Nature* 334, 724 (1988) beschrieben. Ein Fragment der Polygalakturonase-cDNA wird in gegensinniger Orientierung in einen Expressions-Vektor gebracht. Mit diesem Vektorplasmid werden über *E. coli* und *Agrobacterium tumefaciens* Stiel-Segmente der Tomate transformiert. Die Expression von antisense-RNA kann dann in den Blättern der Tomatenpflanze nachgewiesen werden. Man nimmt an, daß die "antisense"-RNA sich an die eigentliche Polygalakturonase-RNA anlagert, wodurch diese inaktiviert wird, was wiederum zur Folge hat, daß die Polygalakturonase-Synthese zum Teil inhibiert wird.

Zur spezifischen Beeinflussung der Reifungsprozesse in Pflanzen wurden nun Ribozyme entwickelt, die an Reifungsenzym-RNA binden und diese an bestimmten Schnittstellen in der Sequenz spalten können. Mit Hilfe der erfindungsgemäßen Ribozyme kann die Synthese bestimmter Reifungsenzyme nicht nur zum Teil inhibiert, sondern nahezu vollständig, i.e. ca. 80-100 %, gehemmt werden. wirksame Inhibitoren beschrieben (S. Billich et al., *J. Biol. Chem.* 34, (1988), 17905-17098; M. Moore et al., *Biochem. Biophys. Res. Comm.*, 159, (1989), 420-425; A.D. Richards, R. Roberts, B.M. Dunn, M.C. Graves und J. Kay, *FEBS Lett.*, 247, (1989), 113-117).

Hohe Dosen von Pepstatin A waren in der Lage in der Biosynthese die Bildung des Kernproteins p24 zu verringern (v.d.Helm, L. Gürtler, J. Eberle und F. Deinhardt, *FEBS Lett.*, 247, (1989), 349-352).

Es wurde nun eine neue Strukturklasse gefunden, die im Enzymtest hochwirksam die HIV-Protease hemmt.

Die vorliegende Erfindung betrifft Verbindungen der Formel I



10

worin

Y für Sauerstoff, Schwefel, einen Rest der Formel II oder einen Rest der Formel III

15



20

steht;

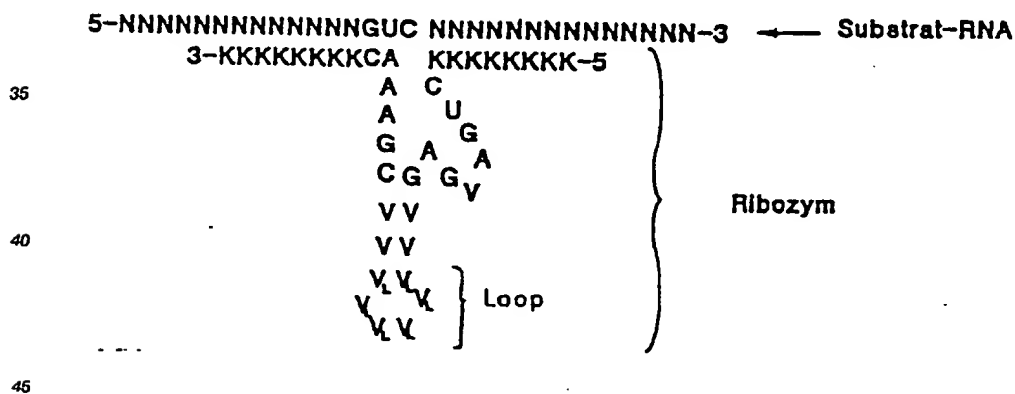
I und m unabhängig voneinander 0 oder 1 sind;

A einen Rest der Formel IV und A* einen Rest der Formel IV* bedeuten

25

Nukleotiden bestehen, die zusammengenommen komplementär zu einer DNA-Sequenz des zu hemmenden Reifungsenzyms sind und daß die Anfangs- und Endsequenz der Oligonukleotide durch eine dazwischenliegende RNA-Sequenz getrennt werden, die zum Teil aus spezifischen, für die Funktionalität des Ribozyms vorgegebenen Nukleotiden und zum Teil aus variablen Nukleotiden besteht. Das mit Substrat-RNA hybridisierte Ribozym kann im Schema wie folgt aussehen.

30



45

wobei

N Nukleotide der Substrat-RNA, A, C, G oder T

K komplementäre Nukleotide zu N im Ribozym

50

V variable Nukleotide im Ribozym und

V_L variable Nukleotide im Loop des Ribozyms bedeutet.

Die Nukleotidanzahl von V_L im Loop kann 0-550 betragen. Als Schnittstelle in der Substrat-RNA wird bevorzugt eine GU-Erkennungssequenz gewählt.

55

Die genannten Oligonukleotide werden mit einem entsprechenden Linker versehen. Derartige Linker besitzen beispielsweise Schnittstellen von EcoRI, Sall, BamHI, HindIII, EcoRV, SmaI, XhoI, KpnI, bevorzugt XbaI bzw. PstI.

Die synthetisierten Oligonukleotide werden mit Hilfe der Vektoren pUC19, pUC 18 oder pBluescript (Stratagene, Heidelberg, Product Information) kloniert, und sequenziert.

Das bestätigte Oligonukleotid wird in einen intermediären Vektor mit Pflanzenpromotor kloniert. Derartige Vektoren sind beispielsweise die Plasmide pPCV701 (Velten J. et al. EMBO J. 3 , 2723-2730 (1984)), pNCN (Fromm M. et al. PNAS 82 , 5824-5826 (1985)) oder pNOS (An G. et al., EMBO J. 4 , 277-276 (1985)). Bevorzugt wird der Vektor pDH51 (Pietrzak, M. et al., Nucleic Acids Res. 14 , 5857, (1986)) mit einem 35S-Promotor verwendet.

Nach anschließender Transformation von E. coli, wie z.B. E. coli MC 1061, DH1, DK1, GM48 oder XL-1, werden positive Klone nach an sich bekannten Methoden (Maniatis et al., Lab. Manual), wie Plasmidminipreparation und Spaltung mit einem entsprechenden Restriktionsenzym, identifiziert.

Diese positiven Klone werden dann in einen binären Pflanzenvektor subkloniert. Als Pflanzenvektoren können pGV3850 (Zambrysk, P. et al, EMBO J. 2 , 2143-2150 (1983)) oder pOCA18 (Olszewski, N., Nucleic Acids Res. 16 , 10765-10782, (1988)) eingesetzt werden. Vorteilhaft wird mit pOCA18 gearbeitet.

Die erhaltenen binären Pflanzenvektoren, die einen Pflanzenpromotor mit dem angehängten DNA-Fragment für die Ribozym-Produktion in der T-DNA enthalten, werden verwendet, um Pflanzen zu transformieren. Dies kann durch Techniken wie Elektroporation oder Mikroinjektion erfolgen.

Bevorzugt wird die Kokultivierung von Protoplasten oder die Transformation von Blattstückchen mit Agrobakterien angewandt. Dazu wird das Pflanzenvektorkonstrukt durch Transformation mit gereinigter DNA oder, vermittelt über einen Helferstamm wie E. coli SM10 (Simon R. et al., Biotechnology 1 , 784-791 (1983)), in Agrobakterium tumefaciens wie A282 mit einem Ti Plasmid über ein "triparental mating" transferiert. Direkte Transformation und triparental mating wurden, wie in, "Plant Molecular Biology Manual" (Kluwer Academic Publishers, Dordrecht (1988)) beschrieben, durchgeführt.

Es können grundsätzlich alle Pflanzen mit Ribozym-DNA tragenden binären Pflanzenvektoren transformiert werden. Bevorzugt sind dikotyledone Pflanzen, insbesondere Nutzpflanzen, wie z.B. fruchttragende Pflanzen. Als Beispiel sollen Tomate, Erdbeere, Avocado, sowie Pflanzen, die tropische Früchte tragen, z.B. Papaya, Mango, aber auch Birne, Apfel, Nektarine, Aprikose oder Pfirsich genannt werden. Insbesondere bevorzugt wird das beschriebene Verfahren mit der Tomate durchgeführt. Die transformierten Zellen werden mit Hilfe eines Selektionsmediums selektiert, zu einem Kallus herangezüchtet und auf einem entsprechenden Medium zur Pflanze regeneriert (Shain et al, Theor. appl. Genet. 72 , 770-770 (1986); Masson, J. et al., Plant Science 53 , 167-176 (1987), Zhan et al., Plant Mol. Biol. 11 , 551-559 (1988); McGranham et al, Bio/Technology 6 , 800-804 (1988), Novrate et al., Bio/Technol. 7 , 154-159 (1989)).

Die resultierende Pflanze wird durch die Transformation insofern verändert, als in den Zellen die Ribozyme exprimiert werden, was wiederum bewirkt, daß die Ribozym-RNA nicht nur an die den entsprechenden Reifungsgenen komplementäre RNA bindet und eine mehr oder weniger starke Hemmung der Synthese des Reifungsenzyms bewirkt, sondern daß die den entsprechenden Reifungsgenen komplementäre RNA spezifisch an GUC-Sequenzen geschnitten wird, wodurch die Synthese des betreffenden Reifungsenzyms nahezu vollständig gehemmt wird.

Die Bildung der Ribozym-spezifischen Sekundärstrukturmerkmale der in der transgenen Pflanze in vivo synthetisierten Ribozym-RNA war in keiner Weise zu erwarten, so daß die beobachtete Hemmung der Synthese der Reifungsenzyme völlig überraschend war.

Die folgenden Beispiele dienen der weiteren Erläuterung der Erfindung.

Beispiele

Prozentangaben beziehen sich auf das Gewicht, soweit nichts anderes angegeben ist.

1. Klonierung der Oligonukleotide

Die Synthese der Oligonukleotide zur Ribozymexpression erfolgte auf Basis der folgenden cDNA-Sequenzen

a) 5' TGATGGAGTCCATGTATCA 3'

Ausschnitt aus der Polygalakt. cDNA-Sequenz nach Grierson, D. et al., Nucleic Acids Res. 14 , 8595-8603

b) 5' TAGCAAGTCCTGACCTAA 3'

Ausschnitt aus der cDNA-Sequenz der Pektin-Esterase nach Ray, J., Eur. J. Biochem. 174 , 119-124 (1988)

c) 5' TGCTTTGTCCGATACAGT 3'

Sequenzausschnitt der cDNA eines "ripening related protein" nach Ray, J., Nucleic Acids Res. 15 ,

10587 (1987)

Mit Hilfe der Phosphoramidit-Methode (Engels J. et al., *Advances in Biochemical Engineering Biotechnology* Band 37 ed. : A. Fiechter, Springer Verlag, Berlin/Heidelberg, 1988) wurden folgende Oligonukleotide mit einem Synthesizer synthetisiert:

zu a) 5' CTAGATGATACATGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAACTCCATCTGCA 3'
3' TACTATGTACGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGAGGTAG 5'

zu b) 5' -CTAGATTAGGTCAGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAACTTGCTACTGCA-3'
3' -TAATCCAGTCCGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGAACGATG-5'

zu c) 5' -CTAGACTGTATCGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAAACAAAGCACTGCA-3'
3' -TGACATAGCGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGTTTCGTG-5'

Der Vektor pDH51 (Pietrzak, M. et al, *Nucleic Acids Res.* 14, 5857 19) wurde mit den Restriktionsendonukleasen XbaI und PstI geschnitten, mit "calf intestinal phosphatase" (CIP) inkubiert, phenolisiert und gefällt (Maniatis, Lab. Manual). Der so behandelte Vektor wurde mit einem dreifachen Überschuß an phosphorylierten Oligonukleotiden ligiert und in *E. coli* MC1061 transformiert. Positive Klone wurden durch Plasmidminipräparationen und anschließende Verdauung mit XbaI und PstI identifiziert.

Ferner wurden die ampicillin-resistenten transformierten *E. coli* Zellen (100 µg Ampicillin pro ml LB-Medium) auf Nitrocellulose-Membranen (Gene Screen Plus®, NEN®, Boston) überführt und weitere 14 Stunden bei 37°C auf LB-medium mit Ampicillin inkubiert. Die Kolonien wurden danach in 0,5 M NaOH aufgeschlossen und fixiert. Nach dem Trocknen konnten die Filter mit radioaktiv markierten Oligonukleotiden hybridisiert werden. Positive Klone ergaben eine Schwärzung auf dem Film.

2. Subklonierung eines 35S-Promotor-Genfragments in pOCA 18

Aus den nach 1. erhaltenen Klonen wurde je ein 0,75 kb EcoRI Fragment isoliert. Dieses wurde in einen mit EcoRI geschnittenen pOCA 18 Vektor eingebaut und in *E. coli* MC1061 transformiert. Positive Klone wurden durch Plasmidminipräparationen und nach anschließender Hydrolyse mit EcoRI durch das Auftreten der 0,75 kb-Bande identifiziert.

3. Transformation von *Agrobacterium tumefaciens*

Um Pflanzen transformieren zu können, muß das unter 2. erhaltene Konstrukt in ein *Agrobacterium* überführt werden. Dies geschieht entweder durch "triparental mating" oder direkt. Beim "triparental mating" wurden je 100 µl Bakterien aus Übernachtskulturen von *E. coli* SM10, der die Konstruktion tragenden *E. coli* MC1061 und *Agrobacterium tumefaciens* abzentrifugiert und zusammen in 30 µl LB Medium aufgenommen. Nach 30 Minuten bei Raumtemperatur gab man diese Bakteriensuspension auf einem Filter auf eine LB Platte ohne Antibiotika. Nach 12 Std. Inkubation bei 37°C wurde der Filter in 2,5 ml 10 mM MgCl₂ gewaschen. Aliquots wurden auf LB Platten mit Rifampicin, Tetrazyklin und Kanamycin selektiert. Positive Kolonien wurden durch Hybridisierung mit ³²P markierter DNA des zu exprimierenden Gens identifiziert.

Bei der direkten Transformation von *Agrobacterien* wurden die Zellen über Nacht in YEB Medium (1 % Yeast-Extrakt, 1 % Pepton, 0,5 % NaCl) mit 25 µg/ml Kanamycin und 100 µg/ml Rifampicin bei 28°C gezüchtet. Die Bakteriensuspension wurde nach 16 Stunden auf eine OD₅₅₀ von 0,1 verdünnt und bis zu einer OD₅₅₀ von 0,5 bei 28°C weiterinkubiert. 1 ml dieser Kultur wurde abzentrifugiert und mit 1 ml 150 mM NaCl gewaschen. Nach dem Waschen resuspendierte man den Niederschlag in 600 µl eiskalter 10 mM CaCl₂-Lösung.

Aus nach 2. gewonnene *E. coli* Klone wurde nach Aufschluß der Zellen mit 0,2 N NaOH/ 1 % SDS der pOCA 18-Vektor mit dem klonierten 0,75 kb-Fragment isoliert und über eine CsCl-Dichtegradientenzentrifugation gereinigt. 1 µg der Plasmid-DNA gab man zu den kompetenten *Agrobakterien* und stellte die

Eppendorf-Gefäße für 1 Stunde auf Eis. Nach 1 Stunde inkubierte man die Plasmid-Lösung 5 Minuten bei 37 °C und gab 2 ml YEB Medium dazu. Die Zellen wurden anschließend über Nacht bei 28 °C in einem Schüttelinkubator inkubiert. Danach gab man jeweils 100 µl auf YEB-Platten mit 100 µg/ml Rifampicin, 25 µg/ml Kanamycin und 2,5 µg/ml Tetrazyklin. Nach 2 Tagen bei 28 °C zeigten sich auf den Platten Kolonien.

5 Positive Klone wurden durch Hybridisierung mit den entsprechenden ³²P markierten Oligonukleotiden a), b) oder c) nachgewiesen.

Dazu wurden die transformierten Agrobakterien auf Gene Screen Plus Membranen ausgestrichen und auf YEB-Platten mit 100 µg/ml Rifampicin, 25 µg/ml Kanamycin mit 2,5 µg/ml Tetrazyklin bei 28 °C 14 Stunden inkubiert. Die Membranen wurden anschließend 2 Minuten auf 0,5 M NaOH und danach 2 Minuten auf 0,5 M Tris pH 7,5 gelegt. Nach dem Trocknen prähybridisierte man in 10 % Dextransulfat/1 M NaCl/ 1 % SDS bei 55 °C für 2 Stunden und gab danach die radioaktiv markierte Oligonukleotide a), b) oder c) dazu. Die Filter wurden über Nacht bei 55 °C zusammen mit den radioaktiv markierten Oligos inkubiert. Nach dem Waschen bei 55 °C für je 30 Minuten mit 1x SSC (0,15 M NaCl, 0,015 M Natriumcitrat, pH 7,0) und 2x mit 0,2 fachen SSC wurden die positiven Klone durch Schwärzung eines aufgelegten Films

15 identifiziert.

4. Transformation von Tomaten

20 a) Protoplastentransformation:

Tomatenprotoplasten (Plant Cell Reports 6 , 172-175 (1987)) werden einmal mit W5-Lösung (154 mM NaCl, 125 mM CaCl₂ · H₂O, 5 mM KCl, 5 mM Glukose) und einmal mit MaMg-Lösung (0,45 M Mannitol, 25 mM MgCl₂, 0,1 % 2-(N-Morpholin)ethansulfonsäure (MES, pH 5,8), Fa. Sigma Chemie, Deisenhofen, BR Deutschland) gespült. Nach vorsichtigem Zentrifugieren bei 600 rpm über 3 Minuten wird der

25 Überstand bis auf 0,5 ml abgezogen. Dazu pipettiert man 50 µg Kalbsthymus DNA, 10 µg des beschriebenen Plasmids und 10 Tropfen 45 % Polyethylenglykol (PEG 8000). Nach 10 Minuten werden die Protoplasten zweimal mit W5-Lösung gewaschen und in LCM-Medium (Plant Cell Reports 6 , 172-175 (1987)) inkubiert.

b) Blattstückchentransformation mit Agrobakterien:

30 Tomatenblätter werden kleingeschnitten und auf MS-Medium (Murashige, T. et al., Physiol. Plant 15 , 473-497 (1962)), mit 2 % Saccharose und 1 ppm Pflanzenwachstumshormon Zeatin (Serva Feinbiochemica GmbH & Co., Heidelberg, BR Deutschland) gelegt und bei 25 °C über einen Zeitraum von 16 Stunden Licht/Tag inkubiert. Einen Tag später erfolgt Infektion mit Agrobakterien. Dabei werden die Blattstückchen kurz in eine verdünnte Bakteriensuspension (OD 0,15) des transformierten Agrobakterien-

35 stamms eingetaucht, auf dieselbe Platte zurückgelegt und unter gleichen Bedingungen weiterinkubiert. Am dritten Tag werden alle Blattstückchen mit einer 250 mg/l Carbenicillinlösung gespült und auf ein 2MS-Medium mit 1 ppm Zeatin, 200 mg/l Cefotaxim (Hoechst AG, Frankfurt), 200 mg/l Carbenicillin und 100 mg/l Kanamycin, gegeben. Regeneranten wurden nach etwa 20 weiteren Tagen auf 2 MS-medium mit 1 ppm Zeatin, 200 mg/l Cefotaxim, 200 mg/l Carbenicillin und 100 mg/l Kanamycin umgesetzt.

40 Nachweis der gegen die "ripening related protein" -RNA gerichteten Ribozym-RNA einer transgenen Tomatenpflanze.

Aus einem Blattstückchen einer transgenen Tomatenpflanze, die mit dem gegen die "ripening related protein"-RNA gerichteten Ribozym-kodierenden Gen transformiert wurde, wurde die zelluläre Gesamt-RNA isoliert. Dazu zerrieb man das Blattmaterial unter flüssigem Stickstoff mit Mörser und Pistill. Zum

45 pulverförmigen Blattmaterial gab man das doppelte Volumen eines Extraktionspuffers (0,2 M Natriumacetat, 1 % SDS, 10 mM EDTA), das doppelte Volumen Phenol (equilibriert mit Extraktionspuffer) und ein halbes Volumen Chloroform/Isoamylalkohol 24:1 (v/v). Nach sehr gründlichem Vermischen trennte man die Phasen durch Zentrifugieren und wiederholte die phenolische Extraktion der oberen wäßrigen Phase. Diese wäßrige Phase wurde nach Durchmischen und Trennen durch zentrifugieren wieder in ein frisches Eppendorf-Gefäß

50 überführt und mit Chloroform/Isoamylalkohol 24:1 (v/v) extrahiert. Danach gab man zur wäßrigen Phase 1/3 Volumen 8 M LiCl und hielt den Ansatz über Nacht bei 4 °C. Nach dem Zentrifugieren bildete sich ein Niederschlag. Dieser wurde in Wasser aufgenommen und nach Zugabe von 0,3 M Na-Azetat (pH 5,5) (Endkonzentration) mit 2 1/2 Volumen Ethanol gewaschen. Nach dem Waschen mit 70 % Ethanol und Trocknen wurde der Niederschlag in 50 µl Wasser aufgenommen.

55 Zum Nachweis der spezifischen Expression des Ribozymcodierenden Gens wurden je etwa 4 µg Gesamt-RNA aus einer nicht-transformierten WildtypTomatenpflanze und aus einer transgenen Tomatenpflanze auf einem 1 % Agarosegel mit 6 % Formaldehyd aufgetragen. Zum Auftragen wurde die RNA getrocknet, in 50 % Formamid/6 % Formaldehyd aufgenommen und für 15 Minuten auf 60 °C erhitzt. Das

Agarosegel wurde nach dem Lauf kurz mit H₂O gewaschen und mit 10 x SSC auf Gene Screen Plus Membran übertragen. Die Membran wurde nach 24 Stunden mit 2 x SSC gespült, 2 Std. bei 80 °C inkubiert und getrocknet.

Die Hybridisierung erfolgte nach 2 Stunden Prähybridisierung mit 1 % SDS, 1 M NaCl und 10 % Dextransulfat bei 55 °C mit radioaktiv markiertem Oligonukleotid c) des "ripening related protein"-DNA.

Nachweis des gegen die "ripening related protein"-RNA gerichteten ribozymcodierenden Gens

2 Blattstückchen der transgenen Tomatenpflanze bzw. einer nicht-transformierten Wildtyp-Tomate wurden unter flüssigem Stickstoff mit Mörser und Pistill zerkleinert. Das Pulver wurde in Eppendorfgefäße gegeben und mit 500 µl 2 x CTAB-Puffer versetzt (2 x CTAB: 2 % Cetyl-Trimethylammoniumbromid, 100 mM Tris pH 8,0, 20 mM EDTA, 1,4 M NaCl, 1 % Polyvinylpyrrolidon MG = 40000), der vorher auf 65 °C erhitzt wurde. Anschließend gab man 500 µl Chloroform/Isoamylalkohol 24:1 (v/v) dazu und extrahierte die wässrige Phase. Die beiden Phasen wurden anschließend durch Zentrifugation getrennt. Die wässrige Phase pipettierte man in ein neues Eppendorfgefäß und gab 100 µl 5 % CTAB dazu, das auf 65 °C erhitzt wurde. Es wurde nochmal mit Chloroform/Isoamylalkohol extrahiert, bevor 500 µl CTAB-Präzipitationspuffer (1 % CTAB, 50 mM Tris pH 8,0, 10 mM EDTA) zur wässrigen Phase zugegeben wurde. Nach Zentrifugation wurde der Niederschlag in Hochsalz TE (10 mM Tris pH 8,0, 1 mM EDTA, 1 M NaCl) gelöst und mit 2 1/2 Volumen Ethanol gefällt. Nach Zentrifugation, Waschen und Trocknen nahm man den Niederschlag in Wasser auf und behandelte mit 25 µg/ml RNase A (Endkonzentration). Die RNase wurde anschließend durch Phenolisieren entfernt. Nach erneutem Trocknen nahm man die DNA in 50 µl Wasser auf.

Anschließend wurden 4 µg der DNA 1 Stunde bei 37 °C mit der Restriktionsendonuklease Eco RI hydrolysiert. Das Hydrolysat wurde auf einem 1 % Agarosegel aufgetrennt. Das Gel schüttelte man 30 Min. mit 0,4 N NaOH/0,6 M NaCl und anschließend 30 Min. mit 0,5 M Tris Cl pH 7,5/1,5 M NaCl. Als Größenstandard diente ein PstI-Hydrolysat der λ-Phagen-DNA.

Anschließend transferierte man die DNA auf ein Gene Screen Plus Membran mit 10 x SSC über einen Kapillar-Blot. Das Filter wurde anschließend getrocknet und mit 1 % SDS/1 M NaCl/ 10 % Dextransulfat prähybridisiert. Zum Hybridisieren versetzte man den Prähybridisierungsmix mit einer radioaktiv markierten Probe des Oligonukleotides c), das vorher 10 Minuten gekocht wurde.

Das Ribozym-codierende Gen wurde durch das Auftreten einer Schwärzung des aufgelegten Röntgenfilms bei ca. 0,8 kb nachgewiesen.

Nachweis der in vitro Aktivität der Ribozyme

Das Oligonukleotid das ein Ribozym gegen die "ripening related protein"-RNA codierte wurde in den nach Hydrolyse mit den Restriktionsendonukleasen XbaI und PstI geöffneten Vektor Bluescript kloniert. Parallel dazu wurde in denselben Vektor ein DNA-Fragment des "ripening related proteins" (Nukleotidnummer 792-815 der von Ray, J. et al., Nucleic Acids Res. 15, 10587 (1987) veröffentlichten DNA-Sequenz) in die SacI/KpnI Schnittstelle kloniert. Beide Vektoren dienten in einer in vitro RNA Polymerase Reaktion als DNA-Matrize für die RNA-Synthese.

Hierzu wurden parallel der das Ribozym-Gen-tragende Vektor und der das DNA-Fragment des "ripening related protein"-Gen-tragende Vektor mit der Restriktionsendonuklease SacI geschnitten. Je 1 µg der geöffneten Vektoren wurden anschließend mit je 10 µM der Nukleotide ATP, GTP, CTP, UTP und (α-³²P)UTP (5 ...) in 50 mM HEPES (pH 7,5) und 10 u. T7 RNA-Polymerase für 30 Minuten bei 37 °C inkubiert. Die RNA wurde nach DNase Behandlung in Ethanol gefällt.

Die synthetisierte RNA des Ribozym-Gen-tragenden Vektors und die RNA des "ripening related protein"-Genfragmenttragenden Vektors wurden zusammen in 50 mM Tris·Cl (pH 7,8) und 10 mM MgCl₂ zwei Stunden bei 25 °C inkubiert. Die Reaktionsprodukte wurden anschließend auf einem 5 %igen denaturierenden Polyacrylamidgel (8 M Hamstoff) getrennt und durch Autoradiographie auf einem Röntgenfilm identifiziert. Das Autoradiogramm zeigt, daß in Anwesenheit von Ribozym-RNA das RNA-Transkript des "ripening related protein"-Genfragmentes gespalten wurde.

Nachweis der verzögerten Reifung von transgenen Tomaten

Ein Vergleich einer nicht-transformierten Wildtyp-Tomatenpflanze mit einer transgenen Tomatenpflanze, die das gegen die "ripening related protein"-RNA gerichtete Ribozym-kodierende Gen trägt, ergab, daß die Tomaten der transgenen Pflanze eine um mehrere Tage verzögerte Reifung zeigten. Die Ribozym-Aktivität und die damit verbundene Reifungsverzögerung wurde somit auch in der Tomatenfrucht, die den eigentli-

chen Wirkort darstellt, nachgewiesen.

Ansprüche

5

1. Ribozym kodierendes Gen oder Gen-Fragment mit der DNA-Sequenz

10

a) 5' CTAGATGATACATGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAAACTCCATCTGCA 3'
3' TACTATGTACGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGAGGTAG 5'

15

b) 5' -CTAGATTAGGTCAGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAAACTTCCTACTGCA-3'
3' -TAATCCAGTCGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGAACGATG-5'

20

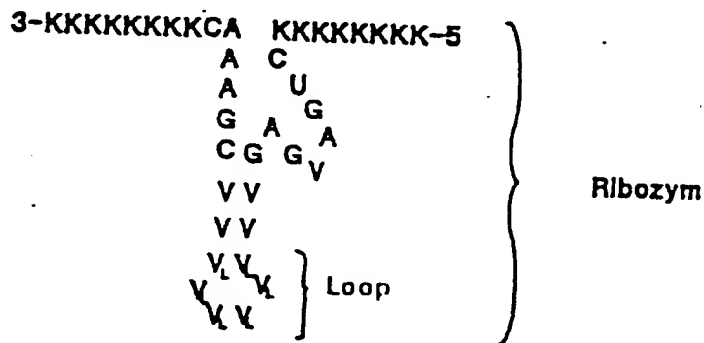
c) 5'-CTAGACTGTATCGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAAACAAAGCACTGCA-3'
3' -TGACATAGCGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGTTTCGTG-5'

2. RNA mit Ribozym-Aktivität der Sequenz,

25

30

35



40 in der K zur pflanzlichen Reifungsenzym-RNA komplementäre Nukleotide A, C, G oder U,

V variable Nukleotide A, C, G oder U und

V_L variablen Nukleotide A, C, G oder U im Loop bedeutet, wobei die Nukleotidanzahl von V_L im Loop eine Zahl von 0 bis 550 ist.

3. RNA mit Ribozym-Aktivität mit der Sequenz

45

50

55

5 a) C U A C C U C A G U A C A U A G U
 A C
 A U
 A G
 G A
 10 C G A G U
 A U
 G C
 G C
 15 A U
 C
 G

20 b) A U C G U U C A G A C U G G A U U
 A C
 A U
 25 A G
 G A
 C G A G U
 A U
 30 G C
 G C
 A U
 35 C
 G

40 c) A C G A A A C A G C U A U G U C A
 A C
 A U
 A G
 G A
 45 C G A G U
 A U
 G C
 G C
 50 A G
 U
 G

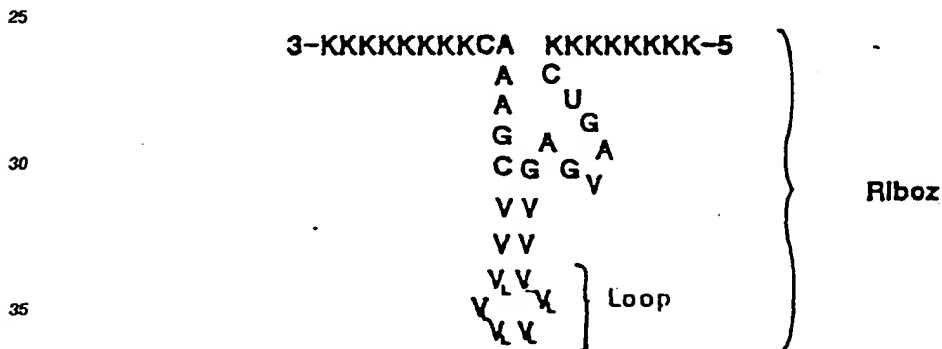
55

4. Verfahren zur Herstellung eines Ribozym kodierenden Gens oder Gen-Fragments mit der DNA-Sequenz

- 5 a) 5' CTAGATGATACATGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAAACTCCATCTGCA 3'
3' TACTATGTACGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGAGGTAG 5'
- 10 b) 5' -CTAGATTAGGTCAGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAAACTTGCTACTGCA-3'
3' -TAATCCAGTCGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGAACGATG-5'
- 15 c) 5' -CTAGACTGTATCGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAAACAAAGCACTGCA-3'
3' -TGACATAGCGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGTTTCGTG-5'

20 durch Synthese von Oligonukleotiden, dadurch gekennzeichnet, daß Oligonucleotide synthetisiert werden, deren Anfangs- und Endsequenzen aus jeweils 5, vorzugsweise 7 bis 10 Nukleotiden bestehen, die zusammengekommen komplementär zu einer DNA-Sequenz des zu hemmenden Reifungsenzyms sind und durch eine dazwischenliegende DNA-Sequenz getrennt werden, die zum Teil aus spezifischen, für die Funktionalität des Ribozyms vorgegebenen Nukleotiden und zum Teil aus variablen Nukleotiden besteht.

5. Verfahren zur Herstellung von RNA mit Ribozym-Aktivität der Sequenz,



40 dadurch gekennzeichnet, daß ein Oligonukleotid der Sequenz

5'-K'K'K'K'K'K'K'K'CTGAVGAG

45 3'-K K K K K K K K GACTVCTC

50 V'V'V'L'L'L'L'L'L'L'L'VCGAAACK'K'K'K'K'K'K'K'-3'
V V V'L'L'L'L'L'L'L'L'VVGCTTTGK K K K K K K K -5'

in der
55 K zur pflanzlichen Reifungsenzym-RNA komplementäre Nukleotide A, C, G oder T,
V variable Nukleotide A, C, G oder T,
V_L variablen Nukleotide A, C, G oder T bedeutet, wobei die Nukleotidanzahl von V_L eine Zahl von 0 bis 550 ist und

K', V', V_L' jeweils zu K, V, V_L komplementäre Nukleotide A, C, G oder T ist, synthetisiert wird,

welches in einen intermediären Vektor mit Pflanzenpromotor kloniert wird, dann zusammen mit dem Pflanzenpromotor in einen binären Pflanzenvektor kloniert wird und mit der so erhaltenen Plasmid-DNA eine Pflanze transformiert wird.

6. Verfahren nach Anspruch 5, dadurch gekennzeichnet, daß als RNA mit Ribozym-Aktivität eine RNA der Sequenz

10 a) C U A C C U C A G U A C A U A G U
C
A U
A G
G A
15 C G^A G U
A U
G C
20 G C
A U

25

30

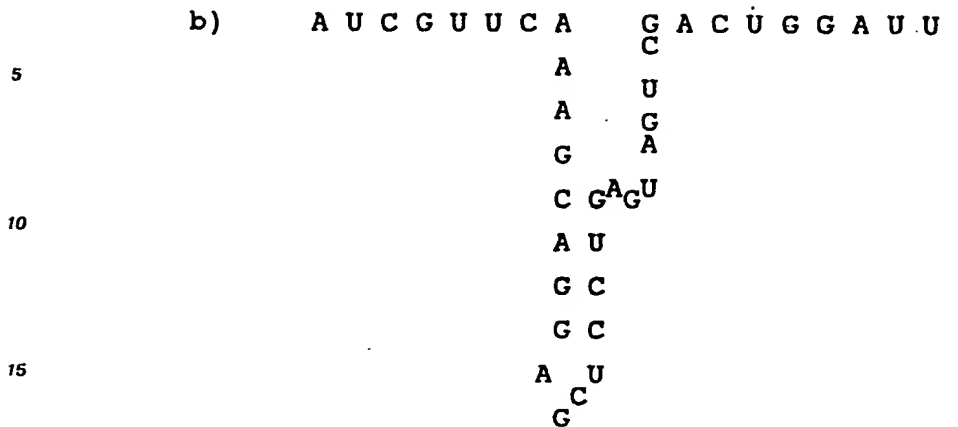
35

40

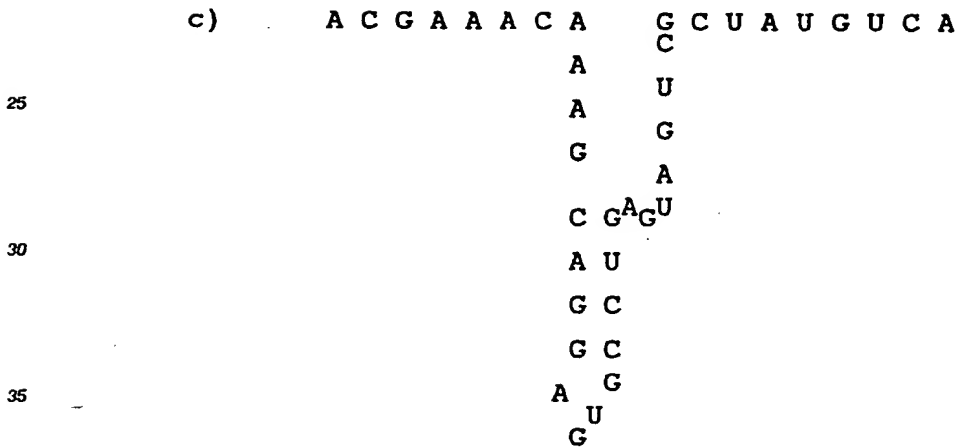
45

50

55



oder



synthetisiert wird.

7. Pflanzenzellen, Pflanzen, deren Samen und Teile, enthaltend eine oder mehrere der DNA-Sequenzen nach Anspruch 1.
8. Pflanzenzellen, Pflanzen, deren Samen und Teile, enthaltend eine oder mehrere der RNA-Sequenzen nach einem der Ansprüche 2 oder 3.
9. Tomate, Teile davon, deren Pflanzenzellen oder Samen, enthaltend eine oder mehrere der DNA-Sequenzen nach Anspruch 1.
10. Tomate, Teile davon, deren Pflanzenzellen oder Samen, enthaltend eine oder mehrere der RNA-Sequenzen nach einem der Ansprüche 2 oder 3.
11. Verwendung von Ribozymen zur Hemmung der Synthese von Reifungsenzymen in Pflanzen.
12. Verwendung nach Anspruch 11, dadurch gekennzeichnet, daß die Pflanzen fruchttragende Pflanzen sind.
13. Verwendung nach Anspruch 12, dadurch gekennzeichnet, daß die fruchttragenden Pflanzen Tomaten sind.
14. Verwendung nach einem oder mehreren der Ansprüche 11 bis 13, dadurch gekennzeichnet, daß als Ribozym die RNA-Sequenz nach den Ansprüchen 2 oder 3 eingesetzt wird.

Patentansprüche für folgenden Vertragsstaat: ES

1. Verfahren zur Herstellung eines Ribozym kodierenden Gens oder Gen-Fragments mit der DNA-Sequenz

1. Verfahren zur Herstellung eines Ribozym kodierenden Gens oder Gen-Fragments mit der DNA-Sequenz

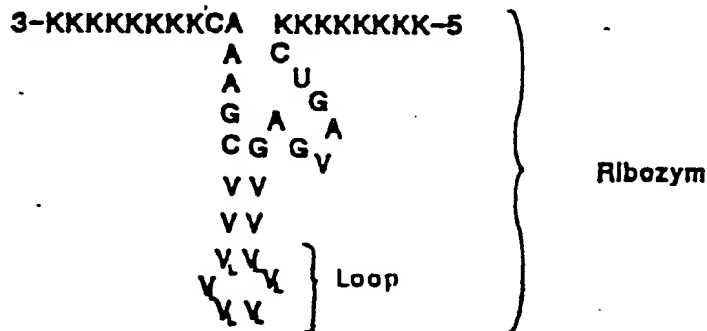
a) 5' CTAGATGATACATGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAAACTCCATCTGCA 3'
3' TACTATGTACGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGAGGTAG 5'

b) 5' -CTAGATTAGGTCAGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAAACTTGCTACTGCA-3'
3' -TAATCCAGTCGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGAACGATG-5'

c) 5'-CTAGACTGTATCGCTGATGAGTCCGTGAGGACGAAACAAAGCACTGCA-3'
3'-TGACATAGCGACTACTCAGGCACTCCTGCTTTGTTTCGTG-5'

durch Synthese von Oligonukleotiden, dadurch gekennzeichnet, daß Oligonucleotide synthetisiert werden, deren Anfangs- und Endsequenzen aus jeweils 5, vorzugsweise 7 bis 10 Nukleotiden bestehen, die zusammengenommen komplementär zu einer DNA-Sequenz des zu hemmenden Reifungsenzyms sind und durch eine dazwischenliegende DNA-Sequenz getrennt werden, die zum Teil aus spezifischen, für die Funktionalität des Ribozyms vorgegebenen Nukleotiden und zum Teil aus variablen Nukleotiden besteht.

2. Verfahren zur Herstellung von RNA mit Ribozym-Aktivität der Sequenz,



dadurch gekennzeichnet, daß ein Oligonukleotid der Sequenz

5'-K'K'K'K'K'K'K'K'K'CTGAVGAG

3'-K K K K K K K K GACTVCTC

V'V'V'L'V'L'V'L'V'L'V'L'V'L'V'VCGAAACK'K'K'K'K'K'K'K'-3'

V V V'L'V'L'V'L'V'L'V'L'V VGCTTTGK K K K K K K K -5'

in der
K zur pflanzlichen Reifungsenzym-RNA komplementäre Nukleotide A, C, G oder T,

V variable Nukleotide A, C, G oder T,

V_L variablen Nukleotide A, C, G oder T bedeutet, wobei die Nukleotidanzahl von V_L eine Zahl von 0 bis 550 ist und

K', V', VL' jeweils zu K, V, VL komplementäre Nukleotide A, C, G oder T ist, synthetisiert wird,

5 welches in einen intermediären Vektor mit Pflanzenpromotor kloniert wird, dann zusammen mit dem Pflanzenpromotor in einen binären Pflanzenvektor kloniert wird und mit der so erhaltenen Plasmid-DNA eine Pflanze transformiert wird.

3. Verfahren nach Anspruch 2, dadurch gekennzeichnet, daß als RNA mit Ribozym-Aktivität eine RNA der Sequenz

10

a) C U A C C U C A G U A C A U A G U

A U

A G A

G A U

C G G U

A U

G C

G C

A U

15

20

25

30

35

40

45

50

55

b) A U C G U U C A G A C U G G A U U

5 A U
A G
G A
C G^A G U

10 A U
G C
G C

15 A U
G C

oder

c) A C G A A A C A G C U A U G U C A

20 A U
A G
G A

25 C G A G U
A U
G C
G C
A G
U G

30

35 G

synthetisiert wird.

4. Verwendung von Ribozymen zur Hemmung der Synthese von Reifungsenzymen in Pflanzen.

5. Verwendung nach Anspruch 4, dadurch gekennzeichnet, daß die Pflanzen fruchttragende Pflanzen sind.

6. Verwendung nach Anspruch 5, dadurch gekennzeichnet, daß die fruchttragenden Pflanzen Tomaten sind.

7. Verwendung nach einem oder mehreren der Ansprüche 4 bis 6, dadurch gekennzeichnet, daß als Ribozym die nach den Ansprüchen 2 oder 3 erhältliche RNA-Sequenz eingesetzt wird.

S E Q U E N Z P R O T O K O L L

SEQ ID NO: 1

ART DER SEQUENZ: DNA-Nucleotide
 SEQUENZLÄNGE: 40 BP
 STRANGFORM: Doppelstrang
 TOPOLOGIE: linear

ART DES MOLEKÜLS: Oligonukleotid-DNA
 ANTISENSE: Ja

URSPRÜNGLICHE HERKUNFT

ORGANISMUS: Pflanze.

UNMITTELBARE EXPERIMENTELLE HERKUNFT

1. Polygalakturonase
2. Ribozym

MERKMALE:

Synthetisch;

Die Synthese der antisense-Oligonukleotide erfolgte auf Basis der folgenden c-DNA-Sequenzen:

1. 19 BP aus der Polygalakt. c-DNA Sequenz
2. 23 BP variable Ribozym-Sequenz

von 1 bis 7 BP	Polygalakt. Sequenz
von 8 bis 30 BP	Nukleotide des Ribozym-Introns
von 31 bis 39 BP	Polygalakt. Sequenz-Intron
40. BP	Linker

5' GATGGAGTTT CGTCCTCAG GACTCATCAG CATGTATCAT 3' 40

S E Q U E N Z P R O T O K O L L

SEQ ID NO: 2

ART DER SEQUENZ: DNA-Nucleotide
 SEQUENZLÄNGE: 41 BP
 STRANGFORM: Doppelstrang
 TOPOLOGIE: linear
 ART DES MOLEKÜLS: Oligonukleotid-DNA
 ANTISENSE: Ja

URSPRÜNGLICHE HERKUNFT

ORGANISMUS: Pflanze

UNMITTELBARE EXPERIMENTELLE HERKUNFT

1. Pektin-Esterase
2. Ribozym

MERKMALE:

Synthetisch;
 Die Synthese der antisense-Oligonukleotide erfolgte auf Basis der folgenden c-DNA-Sequenzen:

1. 18 BP aus der c-DNA-Sequenz der Pektin-Esterase
2. 23 BP variable Ribozym-Sequenz

- | | |
|------------------|--------------------------------|
| 1. BP | Linker DNA |
| von 2 bis 8 BP | Pektin-Esterase Sequenz |
| von 9 bis 31 BP | Nukleotide des Ribozym-Introns |
| von 32 bis 40 BP | Pektin-Esterase Sequenz |
| 41. BP | Linker DNA |

5' GTAGCAAGTT TCGTCCTCAC GGACTCATCA GCTGACCTAA T 3' 41

SEQUENZPROTOKOLL

SEQ ID NO: 3

ART DER SEQUENZ: DNA-Nucleotide
 SEQUENZLÄNGE: 40 BP
 STRANGFORM: Doppelstrang
 TOPOLOGIE: linear
 ART DES MOLEKÜLS: Oligonukleotid-DNA
 ANTISENSE: Ja

URSPRÜNGLICHE HERKUNFT

ORGANISMUS: Pflanze

UNMITTELBARE EXPERIMENTELLE HERKUNFT

1. "Ripening related protein"
2. Ribozym

MERKMALE:

Synthetisch;

Die Synthese der antisense-Oligonukleotide erfolgte auf Basis der folgenden c-DNA-Sequenzen:

1. 19 BP aus der c-DNA-Sequenz der "ripening related proteins"
2. 23 BP variable Ribozym-Sequenz

1. BP	Linker DNA
von 2 bis 7 BP	"Ripening Related Protein"-Sequenz
von 8 bis 31 BP	Nukleotide des Ribozym-Introns
von 32 bis 40 BP	"Ripening Related Protein"-Sequenz

5' GTGCTTTGTT TCGTCCTCAC GGACTCATCA GCGATACAGT 3' 40

S E Q U E N Z P R O T O K O L L

SEQ ID NO: 4

ART DER SEQUENZ: RNA-Nucleotide
 SEQUENZLÄNGE: 40 BP
 STRANGFORM: Einzelstrang
 TOPOLOGIE: hammerhead

ART DES MOLEKÜLS: Oligonukleotid-RNA
 ANTISENSE: Ja

URSPRÜNGLICHE HERKUNFT

ORGANISMUS: Pflanze

MERKMALE:

Synthetisch;

Die Synthese der antisense-Oligonukleotide erfolgte auf Basis der folgenden c-DNA-Sequenzen:

- 1) Komplementärsequenz zur pflanzlichen Reifungsenzym-RNA
- 2) Variable Nukleotide

von 1 bis 8 BP	komplementäre Nukleotide zur pflanzlichen Reifungsenzym-RNA
von 9 bis 14 BP	konstante Nukleotide des Ribozym-Introns
von 15 bis 16 BP	variable Nukleotide
von 17 bis 22 BP	variable Nukleotide innerhalb des Loops
von 23 bis 24 BP	variable Nukleotide
von 25 bis 32 BP	konstante Nukleotide des Ribozym-Introns
von 33 bis 40 BP	komplementäre Nukleotide zur pflanzlichen Reifungsenzym-RNA

5' NNNNNNNNCU GANGAGNNEE EEEENNCGAA ACNNNNNNNN 3' 40

E = variable Nukleotide (0-550) innerhalb des Loops

S E Q U E N Z P R O T O K O L L

SEQ ID NO: 5

ART DER SEQUENZ: RNA-Nucleotide
 SEQUENZLÄNGE: 39 BP
 STRANGFORM: Einzelstrang
 TOPOLOGIE: hammerhead
 ART DES MOLEKÜLS: Oligonukleotid-RNA
 ANTISENSE: Ja

URSPRÜNGLICHE HERKUNFT

ORGANISMUS: Pflanze

UNMITTELBARE EXPERIMENTELLE HERKUNFT

1. Polygalakturonase
2. Ribozym

MERKMALE:

Synthetisch;
 Die Synthese der antisense-Oligonukleotide erfolgte auf Basis der folgenden c-DNA-Sequenzen:

1. 19 BP aus der Polygalakt. c-DNA-Sequenz
2. 23 BP variable Ribozym-Sequenz

von 1 bis 8 BP Polygalakt. Sequenz
 von 9 bis 31 BP Nukleotide des Ribozym-Introns
 von 32 bis 39 BP Polygalakt. Sequenz

5' CUACCUCAA GCAGGAGCUC CUGAGUAGUC GUACAUAGU 3' 39

S E Q U E N Z P R O T O K O L L

SEQ ID NO: 6

ART DER SEQUENZ: RNA-Nucleotide
 SEQUENZLÄNGE: 39 BP
 STRANGFORM: Einzelstrang
 TOPOLOGIE: hammerhead
 ART DES MOLEKÜLS: Oligonukleotid-RNA
 ANTISENSE: Ja

URSPRÜNGLICHE HERKUNFT

ORGANISMUS: Pflanze

UNMITTELBARE EXPERIMENTELLE HERKUNFT

1. Pektin-Esterase
2. Ribozym

MERKMALE:

Synthetisch;

Die Synthese der antisense-Oligonukleotide erfolgte auf Basis der folgenden c-DNA-Sequenzen:

1. 18 BP aus der c-DNA-Sequenz der Pektin-Esterase
2. 23 BP variable Ribozym-Sequenz

von 1 bis 8 BP Pektin-Esterase Sequenz
 von 9 bis 31 BP Nukleotide des Ribozym-Introns
 von 32 bis 39 BP Pektin-Esterase Sequenz

5' AUCGUUCAAA GCAGGAGCUC CUGAGUAGUC GACUGGAUU 3' 39

S E Q U E N Z P R O T O K O L L

SEQ ID NO: 7

ART DER SEQUENZ: RNA-Nucleotide
 SEQUENZLÄNGE: 39 BP
 STRANGFORM: Einzelstrang
 TOPOLOGIE: hammerhead
 ART DES MOLEKÜLS: Oligonukleotid-RNA
 ANTISENSE: Ja

URSPRÜNGLICHE HERKUNFT

ORGANISMUS: Pflanze

UNMITTELBARE EXPERIMENTELLE HERKUNFT

1. "Ripening related protein"
2. Ribozym

MERKMALE:

Synthetisch;

Die Synthese der antisense-Oligonukleotide erfolgte auf Basis der folgenden c-DNA-Sequenzen:

1. 19BP aus der c-DNA-Sequenz des "ripening related proteins"
2. 23BP variable Ribozym-Sequenz

von 1 bis 8 BP	"Ripening Related Protein"-Sequenz
von 9 bis 32 BP	Nukleotide des Reifungsenzym-Introns
von 33 bis 39 BP	"Ripening Related Protein"-Sequenz

5' ACGAAACAAA GCAGGAGUGC CUGAGUAGUC GCUAUGUCA 3' 39



Europäisches
Patentamt

EUROPÄISCHER RECHERCHENBERICHT

Nummer der Anmeldung

EP 90 11 7061

EINSCHLÄGIGE DOKUMENTE			
Kategorie	Kennzeichnung des Dokuments mit Angabe, soweit erforderlich, der maßgeblichen Teile	Betrifft Anspruch	KLASSIFIKATION DER ANMELDUNG (Int. Cl.5)
X,O	UCLA SYMPOSIA ON MOLECULAR AND CELLULAR BIOLOGY NEW SERIES, Vol. 129. PLANT GENE TRANSFER; SYMPOSIUM, PARK CITY, UTAH, USA, APRIL 1-7, 1989 THEOLOGIS, A. et al.: "Cloning the messenger RNA of ACC synthase." * Seite 297, rechte Spalte *	11	C 12 N 15/82 C 12 N 15/11 C 07 H 21/02 A 01 H 5/00 A 01 H 5/10
A	NATURE. vol. 334, 21 Juli 1988, LONDON GB & BRUENING, G.: "Plant development and ribozymes for pathogens." * Seite 197, linke Spalte, Zeile 16 - rechte Spalte; Figuren *	1-14	
D,A	NATURE. vol. 334, 18 August 1988, LONDON GB & GERLACH, W.: "Simple RNA enzymes with new and highly specific endoribonuclease activities." * das ganze Dokument *	1-14	
A	EP-A-0 271 988 (IMPERIAL CHEMICAL INDUSTRIES PLC) * Seite 2, Zeilen 19 - 36; Ansprüche *	1	
			RECHERCHIERTE SACHGEBIETE (Int. Cl.5)
			C 12 N
Der vorliegende Recherchenbericht wurde für alle Patentansprüche erstellt			
Recherchenort Den Haag		Abschlußdatum der Recherche 28 November 90	Prüfer ANDRES S.M.
KATEGORIE DER GENANNTEN DOKUMENTE X: von besonderer Bedeutung allein betrachtet Y: von besonderer Bedeutung in Verbindung mit einer anderen Veröffentlichung derselben Kategorie A: technologischer Hintergrund O: nichtschriftliche Offenbarung P: Zwischenliteratur T: der Erfindung zugrunde liegende Theorien oder Grundsätze E: älteres Patentedokument, das jedoch erst am oder nach dem Anmeldedatum veröffentlicht worden ist D: in der Anmeldung angeführtes Dokument L: aus anderen Gründen angeführtes Dokument &: Mitglied der gleichen Patentfamilie, übereinstimmendes Dokument			